

Julia Kęsik-Maliszewska¹, Michał K. Krzysiak², Magdalena Larska¹

¹ Zakład Wirusologii, Państwowy Instytut Weterynaryjny - Państwowy Instytut Badawczy, Puławy, Polska ; ² Ośrodek Hodowli Żubrów, Białowieski Park Narodowy, Białowieża, Polska

Wprowadzenie:



zwierzęta wolnożyjące

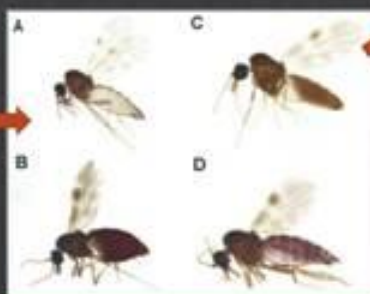
zwierzęta gospodarskie

wirus Schmallenberg
wirus choroby niebieskiego języka
wirus afrykańskiego pomoru koni
wirus choroby krwotocznej zwierząt płowej
inne choroby wirusowe, pierwotniaki, filariozy

Materiały i metody:



CDC 1212, John W. Hock Company, USA



w 2014 i 2015 odpowiednio 135 oraz 97 próbek zbiorczych (po ok 24 osobniki)

homogenizacja
ekstrakcja RNA

rt-RT-PCR
podjednostka S wirusa SBV
specyficzny gen kuczmanów 18S

próbki dające wynik pozytywny w dwóch powtórzeniach uznawano za dodatnie

Wynik:



Wyniki:

- stwierdzono ślady RNA SBV 3% prób zbiorczych z 2015r.; w powtórnym badaniu potwierdzającym tylko jedna pula młodych osobników (*nulliparous*) *C. punctatus* dała wynik pozytywny
- oznaczono liczne gatunki kuczmanów w środowisku leśnym w BPN, również wektory chorób wirusowych
- skład gatunkowy odłowionych owadów jak i ich liczebności różniły się znacząco w porównaniu do odłowów prowadzonych w gospodarstwach rolnych

Wnioski:

- Żubry przywabiają więcej owadów niż bydło. Ponadto BPN położony jest na terenach podmokłych, które stanowią sprzyjające warunki do rozwoju kilku pokoleń owadów w ciągu sezonu. Wszystko to sprawia że żubry są silniej eksponowane na wektory chorób wirusowych niż bydło.
- Obecność śladów materiału genetycznego wirusa SBV w odłowionych w rezerwach owadach odpowiada prawdopodobnemu krążeniu wirusa w populacji żubrów i jeleniowatych w 2015 roku.
- Monitoring entomologiczny w Rezerwach BPN będzie kontynuowany w 2016 roku oraz rozszerzony o odłowy owadów w pobliżu pańników w BPN.

